

Daten in den Lebenswissenschaften: Vom Paper über Datenbanken zur integrierten Informationsquelle

Ralf Hofestädt, Klaus Kuhn,
Wolfgang Müller, Can Türker

Vorwort der Workshop-Leitung	33
<i>Herbert Thiele, Jörg Glandorf, Peter Hufnagel</i>	
Bioinformatics Strategies in Life Sciences: From Data Processing and Data Warehousing to Biological Knowledge Extraction	35 669–679
<i>Dennis Heimann, Jens Nieschulze, Birgitta König-Ries</i>	
A web service based approach for integrating statistics tools into an information system for experiment data	36 680–686
<i>Henriette Engelken, Martin Golebiewski, Meik Bittkowski, Fritz Hamm, Jasmin Saric, Ulrike Wittig, Wolfgang Müller, Uwe Reyle, Isabel Rojas</i>	
Flache und semantische Verarbeitung von Namen biochemischer Verbindungen	37 687–692
<i>Stephan Weise, Christian Colmsee, Eva Grafahrend-Belau, Björn Junker, Christian Klukas, Matthias Lange, Uwe Scholz, Falk Schreiber</i>	
Datenaustausch und Datenintegration zur Modellierung und Analyse metabolischer Netzwerke am Beispiel von Kulturpflanzen	38 693–697
<i>Klaus A. Kuhn, Sebastian H. R. Wurst, Dominik Schmelcher, Gregor Lamla, Florian Kohlmayer, H.-Erich Wichmann</i>	
Integration von Biobanken für Forschungsaufgaben	39 698–703
<i>Benjamin Kormeier, Klaus Hippe, Thoralf Töpel, Ralf Hofestädt</i>	
CardioVINEdb: a data warehouse approach for integration of life science data in cardiovascular diseases.	40 704–708
<i>Sebastian H.R. Wurst, Gregor Lamla, Fabian Prasser, Alfons Kemper, Klaus A. Kuhn</i>	
Einsatz von Dataspaces für die inkrementelle Informationsintegration in der Medizin	41 709–715

Can Türker, Dieter Joho, Fuat Akal, Christian Panse,
Simon Barkow-Oesterreicher, Hubert Rehrauer, Ralph Schlapbach
The B-Fabric Life Sciences Data Management System 42 716–720